# Dimensionamento del Campione





## Perché si calcola la numerosità campionaria?

Per assicurare che il numero di soggetti coinvolti nello studio clinico permetta di rispondere adeguatamente al quesito di interesse, considerando che:

- x uno studio di dimensioni limitate avrà una probabilità elevata di non riuscire a riconoscere un trattamento promettente.
- x uno studio di dimensioni eccessive è economicamente oneroso e rischia di sottoporre un eccessivo numero di soggetti ad un trattamento non efficace.

#### Come si calcola la numerosità campionaria?

- 1) Si sceglie il metodo da utilizzare per il calcolo della numerosità campionaria in funzione:
  - dell'obiettivo dello studio: studio di superiorità, di differenza (di non inferiorità, di equivalenza);
  - del disegno dello studio: a gruppi paralleli, fattoriale, etc..;
  - della natura dell'**end-point primario**: percentuale di "successo" (ad esempio di remissioni complete), probabilità di sopravvivenza libera da evento, livello medio di piastrine.
- 2) Si determina il numero di soggetti da coinvolgere nello studio dopo aver definito il valore di alcuni parametri:
  - clinici (entità dell'effetto del trattamento, percentuale di dropout, variabilità del fenomeno)
  - statistici (tipo di test, livello di significatività, potenza)

#### In generale

# Di quanti pazienti abbiamo bisogno per avviare una sperimentazione clinica?

Di un numero tale per cui si abbia:

- 1) una elevata probabilità di "vincere" quando si dovrebbe "vincere"
- 2) una bassa probabilità di "vincere" quando non si dovrebbe "vincere"

Cosa si intende per "vincere"?



Dipende dal tipo di studio!

#### Studi di Superiorità - 1

#### Quesito dello studio:

Il trattamento sperimentale fornisce un risultato superiore a quello standard?

#### Definizione di superiorità:

Dipende dalla minima differenza di interesse clinico

#### Probabilità di "vincere"

La probabilità di dimostrare la superiorità del trattamento sperimentale

#### Esempio

Si confrontano due tipi di trattamenti di induzione che differiscono fra loro per combinazioni e dosi di farmaci. Si vuole verificare se il trattamento sperimentale garantisce il 50% ( $p_s$ ) di remissione completa invece del 40% ( $p_c$ ) usualmente ottenuto con il trattamento standard.

Beneficio del tratt.: sperim. – standard p <sub>s</sub> – p <sub>c</sub>	Probabilità di indicare la superiorità del trat. sperimentale	
10	elevata	
Ο	piccola	

## Studi di Superiorità - 2

Beneficio del tratt.: sperim. – standard p <sub>s</sub> – p <sub>c</sub>	Probabilità di indicare la superiorità del trat. sperimentale	
10	elevata — potenza (1-β)	
0	piccola $\longrightarrow$ livello di significatività ( $\alpha$ )	

- ⇒ La probabilità di ritenere superiore un trattamento quando lo è si chiama:

  potenza = (1 errore di secondo tipo)

  si vuole sia "elevata" e usualmente la si fissa pari a (1-β) = 0.80
- ⇒ La probabilità di ritenere superiore un trattamento quando non lo è si chiama: livello di significatività =(errore di primo tipo)

si vuole sia "piccola" e usualmente la si fissa pari a  $\alpha$ =0.05

#### Studi di Differenza

Sono una importante generalizzazione degli studi di superiorità. In questo caso, nel confronto fra due strategie di trattamento, il ricercatore si chiede: vi è una differenza rilevante nell'effetto dei due trattamenti?

Il ricercatore si pone in una condizione di prudenza: ammette che possa verificarsi l'eventualità, inattesa ma pur possibile, che il trattamento sperimentale sia peggiore di quello standard.

A parità di minima differenza rilevante, di livelli di significatività e potenza, saranno necessari più soggetti rispetto ad uno studio di superiorità: il calcolo della dimensione campionaria corrisponde infatti a quello di uno studio di superiorità (o inferiorità) con un livello di significatività dimezzato (e ugual potenza).

## Tipi di studio Ipotesi di interesse e calcolo della dimensione

	$H_0: p_s - p_c = 0$ (o $p_s = p_c$ )	
Differenza	versus	
	$H_1$ : $p_S \neq p_C$ (o $ p_S - p_C  > \delta$ )	
Superiorità	$H_0: p_s - p_c = 0 (o p_s = p_c)$	
	versus	
	$H_1: p_S - p_C > 0 \text{ (o } p_S - p_C > \delta)$	

 $p_{S}$  è la probabilità di successo nel trattamento sperimentale  $p_{C}$  è la probabilità di successo nel trattamento di controllo

## Il significato di δ

• La scelta di  $\delta$  è cruciale e influenza la dimensione del campione molto più di  $\alpha$  e  $\beta$ 

- ullet  $\delta$  deve avere senso dal punto di vista clinico:
  - Studi di differenza/ superiorità ⇒ minima differenza ritenuta rilevante

#### Parametri da specificare: superiorità

- Livello di significatività (α)
- Potenza
- La differenza clinicamente rilevante tra i due gruppi
- Il rapporto di randomizzazione (randomizzazione bilanciata / sbilanciata)
- La deviazione standard attesa entro ciascun gruppo per variabili continue

# Criterio di decisione

	Se è vera H <sub>0</sub>	Se è vera H <sub>1</sub>
e in base al campione non rifiuto $H_0$	Decisione giusta protezione: (1-α)	Decisione sbagliata errore di tipo II: β
e in base al campione rifiuto $H_0$ (preferisco $H_1$ )	Decisione sbagliata errore di tipo I: α	<b>Decisione giusta</b> protezione: (1-β)

#### Studio di differenza (medie)

Uno studio randomizzato vuole valutare un nuovo (N) farmaco per la diminuzione della pressione sanguigna con uno già in uso (V). Sono note: la forma della distribuzione degli errori (Gaussiana) e l'entità della variabilità ( $\sigma$  = 10 mmHq)

Ci si chiede se "in media" il nuovo farmaco abbia un diverso effetto sulla pressione sistolica.

La minima differenza che si vuol metter in evidenza è  $\delta=5$ , ovvero la metà della deviazione standard.

Si calcola che occorre reclutare 240 soggetti:

- 120 soggetti assumono V per 6 mesi
- 120 soggetti assumono N per 6 mesi

Come?

Nell'esempio, la dimensione campionaria n = 120 (per ciascun gruppo) era stata calcolata per garantire che :

- · data una varibilità di entrambi i gruppi:  $\sigma$  = 10 mmHg
- fissata una prob. di errore di tipo I  $\alpha$  = 0.01

# si potesse evidenziare una minima differenza $\delta = 5 \text{ mmHg}$

· con una prob. di errore di tipo II  $\beta = 0.10$ 

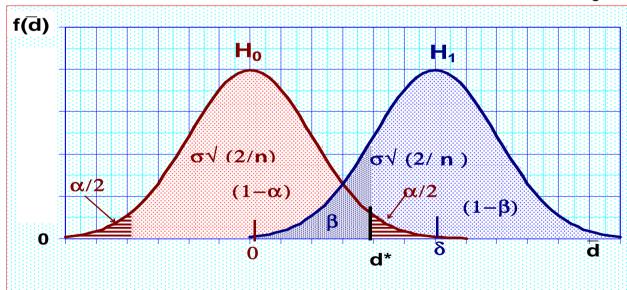
La potenza del test  $1 - \beta = 0.90$ è la prob. di rifiutare  $H_0$  quando è falsa

Due campioni di 120 soggetti garantiscono quanto segue:

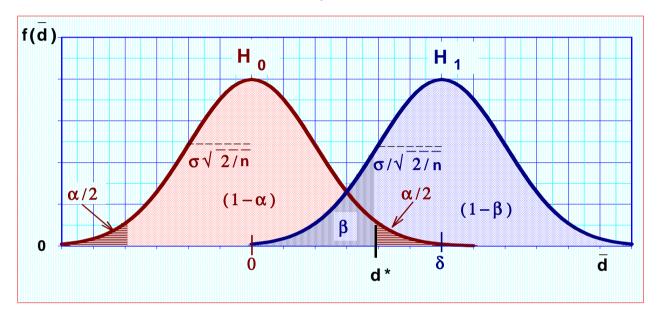
- Non riconoscerò differenze di efficacia tra i farmaci V e N se  $\mu_V = \mu_N$  con una probabilità del 99%.
- · Riconoscerò differenze di efficacia pari o superiori al *minimo valore clinicamente rilevante*  $\delta$  con una probabilità del 90%.

 $\delta$  è nella scala originale, quindi consideriamo la distribuzione della differenza  $(\overline{x}_N - \overline{x}_V)$  (non commisurata all'errore standard) che per 2 campioni di dimensione n che è Gaussiana con

- · media  $\delta$  e varianza  $\sigma^2(2/n)$  sotto  $H_1$
- · media O e varianza  $\sigma^2(2/n)$  sotto  $H_0$



d\* è la soglia della zona di rifiuto nella scala originale



d\* può essere espressa

sia rispetto alla media sotto  $H_0$   $d^* = 0 + z_{\alpha/2} \cdot \sigma \sqrt{2/n}$ 

che rispetto alla media sotto  $H_1$   $d^* = \delta - z_\beta \cdot \sigma \sqrt{2/n}$ 

$$d^* = 0 + z_{\alpha/2} \cdot \sigma \sqrt{2/n}$$

$$d^* = \delta - z_{\beta} \cdot \sigma \sqrt{2/n}$$

Eguagliando le due espressioni si può ricavare la dimensione richiesta:

$$n = 2(z_{\alpha/2} + z_{\beta})^2 \cdot \frac{\sigma^2}{\delta^2}$$

#### Nell'esempio:

- · data una variabilità in entrambi i gruppi:  $\sigma = 10 \text{ mmHg}$
- fissato  $\alpha$  = 0.01

per evidenziare una minima differenza clinicamente rilevante  $\delta$  = 5 mmHg con una potenza 1 -  $\beta$  =0.90

si ottiene una dimensione del singolo campione pari a

$$n = 2 \cdot (z_{\alpha/2} + z_{\beta})^{2} \cdot (\sigma/\delta)^{2} = 2 \cdot (2.58 + 1.28)^{2} \cdot (10/5)^{2} = 119.2$$

#### ESERCIZIO:

- · data una variabilità in entrambi i gruppi:  $\sigma = 10 \text{ mmHg}$
- fissato  $\alpha$  = 0.01

per evidenziare una minima differenza clinicamente rilevante  $\delta$  = 5 mmHg con una potenza 1 -  $\beta$  =0.80

si ottiene una dimensione del singolo campione pari a

## Studio di superiorità (proporzioni)

Si definisce

$$H_0: p_S - p_C = 0$$

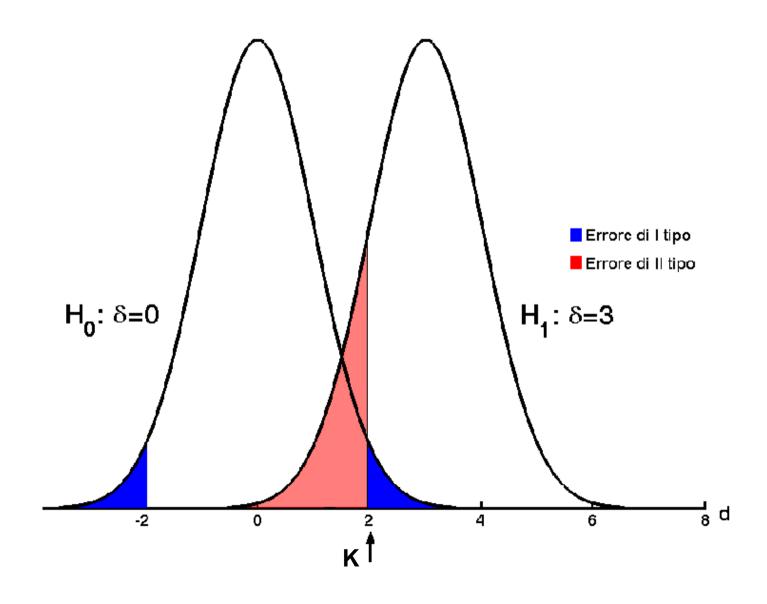
E si "scommette" su una specifica alternativa  $H_1: p_s - p_c = \delta$ 

La stima campionaria sarà:  $\hat{\delta} = \hat{p}_{\scriptscriptstyle S} - \hat{p}_{\scriptscriptstyle C}$ 

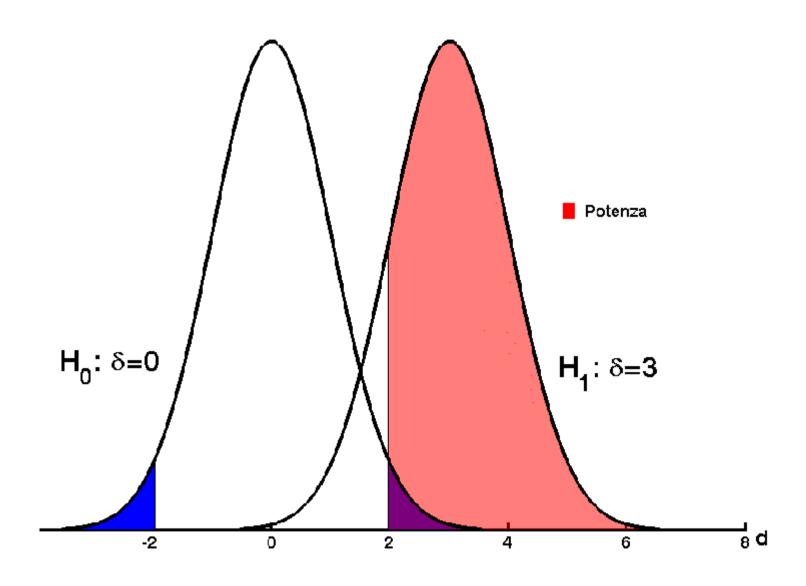
Per  $n \to \infty$  la sua distribuzione sarà

$$\hat{\delta} \approx N(\delta, \frac{p_S(1-p_S)}{n_S} + \frac{p_C(1-p_C)}{n_C})$$

# Le distribuzioni sotto $H_0$ e $H_1$ con $\alpha$ e $\beta$



# La potenza 1-β



## Nel calcolo della dimensione campionaria, se $n_S = n_C = n$

 $p_0$  = probabilità di successo attesa sotto  $H_0$   $p_{SI}$  e  $p_{CI}$  = probabilità di successo attese sotto una specifica  $H_1$ 

Formula per il valore di n (numerosità in un gruppo)

$$n = \frac{\left[z_{\alpha/2}\sqrt{2p_0(1-p_0)} + z_{\beta}\sqrt{p_{S1}(1-p_{S1}) + p_{C1}(1-p_{C1})}\right]^2}{\left(p_{S1} - p_{C1}\right)^2}$$

dove  $z_{\alpha/2}$  e  $z_{\beta}$  sono 100(1- $\alpha$ /2) e (1- $\beta$ ) percentili di N(0,1)

La formula si ottiene esprimendo il valore della soglia K (valore critico) sotto  $H_0$  e  $H_1$ 

#### Un'approssimazione molto utilizzata (Pocock 1983)

Approssima la  $var_{H0}$  con  $var_{H1}$   $2p_0(1-p_0)$  diventa  $p_{SI}(1-p_{SI})+p_{CI}(1-p_{CI})$ 

## e quindi

$$n = (z_{\alpha/2} + z_{\beta})^{2} \frac{p_{SI}(1 - p_{SI}) + p_{CI}(1 - p_{CI})}{(p_{SI} - p_{CI})^{2}}$$

dove 
$$(z_{\alpha/2} + z_{\beta})^2 = f(\alpha, 1 - \beta)$$

di converso, Lachin (1981) approssima  $var_{H1}$  con  $var_{H0}$ 

## Alcuni valori di $f(\alpha, 1-\beta)$

$$1-\beta$$
 $\alpha$ 
0,80
0,90
0,95
0,10
6,2
8,6
10,8
0,05
7,9
10,5
13,0
0,01
11,7
14.9
17,8

Tabella relativa a  $z_{a/2}$  per un test a due code e  $z_{B}$ 

Essa può essere utilizzata per un test a una coda, a patto che si consideri il doppio del livello α (se il test a una coda ha livello 0.025, si deve leggere la riga corrispondente a 0.05)

#### Un esempio (studio di superiorità)

Un esempio pratico di calcolo nello studio di superiorità:

 $p_c$ = 40% è la percentuale di remissione nel gruppo di controllo

 $p_s$ = 50% è la percentuale di remissione attesa nel gruppo sperimentale

 $\alpha$  = 0.05 livello di significatività (una coda)

 $1-\beta = 0.80$  potenza

La formula approssimata (Pocock) fornisce il numero di soggetti necessari per ogni gruppo di trattamento:

$$n = \frac{\left[p_s \times (100 - p_s) + p_c \times (100 - p_c)\right]}{(p_s - p_c)^2} \times f(\alpha, 1 - \beta)$$

nel nostro caso:

$$n = \frac{\left[50 \times 50 + 40 \times 60\right]}{\left(50 - 40\right)^2} \times 6.2 = 304$$

Si dovranno quindi randomizzare 608 soggetti per poter mettere in evidenza una superiorità del 10% o più, con un livello di significatività del 5% ed una potenza dell'80%.

## Un altro esempio (studio di differenza)

Se l'ottica fosse quella di uno studio di differenza, con i medesimi valori di  $p_c$ ,  $p_s$ ,  $\alpha$  (due code) e  $\beta$  si otterrebbe:

n = 387

che è un numero lievemente superiore a quello ottenuto nell'ipotesi di studio di superiorità.

Perché?

Solo perché si dimezza il livello di significatività con cui si definisce la regione critica in ciascuna delle due direzioni.

# Equivale a dire che....

 Se pianifico studio di superiorità con Livello di sign. 0.025 chiedo 387 pts/gruppo
 Livello di sign. 0.05 chiedo 304 pts/gruppo

# L'influenza su n della scelta dell'effetto e della potenza

Potenza	$(1-\beta)$

		0.80	0.90	
p <sub>s</sub> % di remissioni nel gruppo sperimentale	45	1540	2048	
	50	387	515	
	55	171	228	

Baseline: 40%

Alfa (2 code) = 0.05

## Calcolo della dimensione per studi di sopravvivenza

In questi studi è importante non solo l'evento ma quando esso si verifica nel tempo

L'attenzione si sposta dalla probabilità di evento alla valutazione nel tempo del tasso di evento o della probabilità di sopravvivenza

Non tutti i soggetti presentano l'evento nel tempo di follow-up: dati censurati

Si determina il numero di EVENTI necessari e da questi si risale al numero di soggetti

#### La scelta dei parametri statistici

• Un livello a meno stringente  $\Rightarrow$  rischio falsi positivi

• Studi con bassa potenza  $\Rightarrow$  rischio falsi negativi

Il calcolo della dimensione campionaria esprime una dicotomia tra risultati

POSITIVI/NEGATIVI

perché si riferisce ai

test statistici

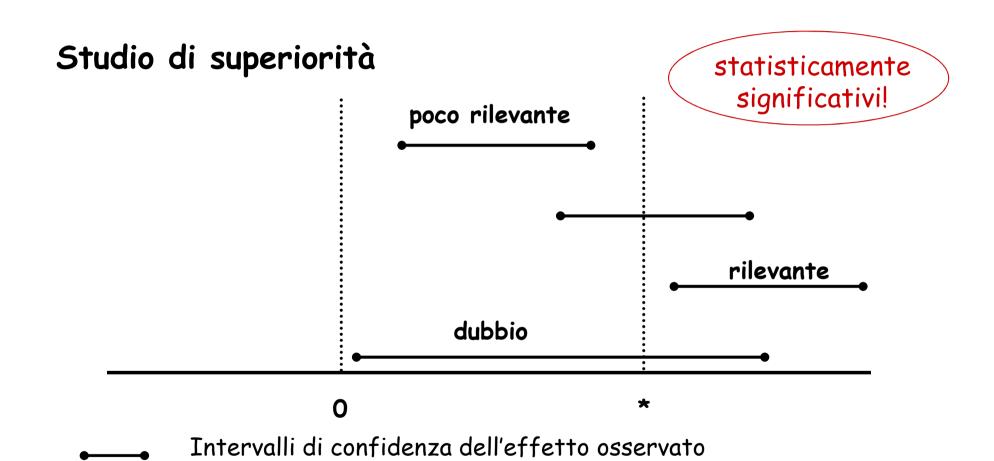
STIMARE GLI EFFETTI

con
INTERVALLI DI CONFIDENZA
serve a dare una indicazione
anche sulla rilevanza della differenza

#### L'intervallo di confidenza (IC)

- Indicano un intervallo di valori all'interno del quale il ricercatore conclude, con una specificata probabilità, che sia compreso l'effetto vero del trattamento.
- Forniscono informazioni sull'entità della stima con un livello di "confidenza" prestabilito (tipicamente 95%).
- · Maggiore è l'ampiezza dell'IC, minore è la precisione della stima.

#### Intervalli di confidenza e rilevanza clinica



Minima differenza clinicamente rilevante