

Matricola

**Nome e Cognome**

Elementi di Bioinformatica, 23/01/2020

---

Rispondere a 3 delle 4 seguenti domande.

1. Descrivere l'algoritmo per calcolare l'allineamento ottimale *global* di due stringhe con costo di lineare (affine). [11 punti]
2. Descrivere l'algoritmo per calcolare il suffix tree di una stringa a partire da suffix array e array LCP della stessa stringa. [10 punti]
3. Descrivere l'algoritmo Karp-Rabin per il pattern matching. [10 punti]
4. Descrivere l'algoritmo UPGMA per il calcolo della filogenesi. [9 punti]